Übersicht:

- **Molecular Dynamics Moleküldynamik/Partikelsimulation** (Diskretisierung der Zeitintegration, kurz- vs. langreichweitige Potentiale)
- **Parallelisierung**: OpenMP (gemeinsamer Speicher) und MPI (verteilter Speicher)
- Lattice Boltzmann
- Finite Elemente
- Multigrid

Moleküldynamik:

- Größenordnungen:
 - Quantenphysik: Elementarpartikel / Atome
 - Klassische Moleküldynamik: Moleküle
 - Mesoskopische Methoden: Gruppen aus Molekülen (Lattice Boltzmann)
 - Klassische Systeme, die das System als Einheit sehen und nicht mehr einzelne Moleküle (Beschreibung mit partiellen Differentialgleichungen, Finite Differenzen/Elemente)
 - Astrophysik (Kreisschluss mit Partikelmethoden auf Ebene von Atomen/Molekülen)
- Computersimulation von Partikelmodellen:
 - Entwicklung eines Systems von interagierenden Partikeln über die Zeit durch Integration der Bewegungsgleichungen
 - System mit N Partikeln mit: Masse m, Position x und Geschwindigkeit v
 - Modellierung der Partikelinteraktionen mit "guten" Algorithmen Ziele:
 - Mit gegebener Anzahl an Operationen möglichst die beste Genauigkeit
 - Eine bestimmte Genauigkeit mit möglichst wenigen Operationen
 - D.h. gutes Kosten-Nutzen-Verhältnis
 - Zwei wichtige Punkte Hauptbestandteile der Simulation:
 - Zeitintegration: numerische Methoden zum "schnellen" Lösen der Differentialgleichungen (Positions- und Geschwindigkeitsupdate)
 - "Schnelle" Auswertung der Kräfte: O(N²) >> O(Nlog³N) = asymptotisch quasioptimal [Barnes Hut, ...] > O(N) = asymptotisch optimal [linked cell, ...]
 - Basis-Algorithmus:

- Welche Methode verwenden? (kurz- oder langreichweitige Potentiale, Komplexität, Speicherverbrauch, Parallelisierung, ...)
- Randbedingungen: periodisch, reflektierend, ausströmend, einströmend
- Physikalische Grundlagen:
 - Potential (potentielle Energie): konservativ, d.h. Zeitunabhängig
 - Kinetische Energie
 - Hamiltonfunktion als Summe über die kinetische Energie und das Potential
 - Daraus hergeleitet: die Newtonschen Bewegungsgleichungen
 - $v = \dot{x}$
 - $F = m\dot{v} = m\ddot{x}$
 - Energie ist eine Erhaltungsgröße des Systems: $\frac{dE}{dt} = 0$
 - Finite Differenzen Approximationen:

$$\begin{bmatrix} \frac{dx}{dt} \end{bmatrix}_{n}^{r} = \frac{x(t_{n+1}) - x(t_{n})}{\delta t} = \frac{dx}{dt} + O(\delta t)$$

$$\begin{bmatrix} \frac{dx}{dt} \end{bmatrix}_{n}^{z} = \frac{x(t_{n+1}) - x(t_{n-1})}{2\delta t} = \frac{dx}{dt} + O(\delta t^{2})$$

$$\begin{bmatrix} \frac{d^{2}x}{dt^{2}} \end{bmatrix}_{n} = \frac{x(t_{n-1}) - 2x(t_{n}) + x(t_{n+1})}{(\partial t)^{2}} = \frac{d^{2}x}{dt^{2}} + O(\delta t^{2})$$

- Standard Störmer-Verlet
 - $F_n = m \frac{x_{n-1} 2x_n + x_{n+1}}{(\delta t)^2} \rightarrow x_{n+1} = 2x_n x_{n-1} + \frac{F_n(\partial t)^2}{m}$
 - Initial bekannt sein müssen x_0 und x_1
 - Rundungsfehler, da ∂t sehr klein sein kann und damit auch $\frac{F_n(\partial t)^2}{m}$ Viel kleiner als

$$v_n \text{ und } x_{n-1}$$

$$v_n = \frac{x_{n+1} - x_{n-1}}{2\partial t}$$

- Weniger anfällig für Rundungsfehler:
 - Leapfrog-Schema:
 - Geschwindigkeit wird zum Halbschritt berechnet (dafür allerdings explizit)

$$\bullet \quad v_{n+\frac{1}{2}} = v_{n-\frac{1}{2}} + \frac{F_n \partial t}{m}$$

- $\bullet \quad x_{n+1} = x_n + \partial t \cdot v_{n+\frac{1}{2}}$
- Geschwindigkeiten und Positionen liegen so erst einmal zu verschiedenen Zeitpunkten vor

•
$$v_n = \frac{1}{2}(v_{n+\frac{1}{2}} + v_{n-\frac{1}{2}})$$

- Geschwindigkeits-Störmer-Verlet:
 - $x_{n+1} = x_n + \partial t \cdot v_n + \frac{F_n(\partial t)^2}{2m}$ $v_{n+1} = v_n + \frac{(F_n + F_{n+1})\partial t}{2m}$

 - Position und Geschwindigkeit liegen zum gleichen Zeitpunkt vor
- Die drei Methoden haben gleichen Speicheraufwand (Geschwindigkeits-Störmer-Verlet braucht einen Hilfsvektor mehr)
- Alle drei Methoden sind von zweiter Ordnung, d.h. $O(\partial t^2)$
- Fehlerquellen: Rundungsfehler und Fehler durch Diskretisierung (=Approximation)
- Störmer-Verlet:
 - Zeitreversibel
 - Symplektisch: maßerhaltend im Phasenraum → ausgezeichnete Eigenschaften der Energieerhaltung → die numerische Approximation lässt sich als exakte Lösung von leicht gestörten Hamiltonsystemen betrachten
 - Einfach
 - Meist verwendete Verfahren zur Integration der Newtonschen Gleichungen
- Basis-Algorithmus mit Störmer-Verlet:

```
t = t start;
< Initialisierung von x und v (und m) >
< Anlegen eines Hilfsvektors F_{old}>
< initiale Berechnung von F >
while(t < t end) {</pre>
    < Schleife über alle Partikel>
         < Update von x gemäß Geschwindigkeits-Störmer-Verlet >
         \mathbf{F}_{\text{old}} = \mathbf{F};
    < Berechnung von F >
    < Schleife über alle Partikel>
         < Update von v gemäß Geschwindigkeits-Störmer-Verlet >
    < Berechnung kinetischer Energie / Output / etc. >
    t += delta t;
}
```

- Berechnung der Kräfte:
 - Beachte, dass gilt $F_{ij} = -F_{ji}$
 - $O(N^2) \rightarrow \text{bessere Methoden, um auf } O(N \log N) \text{ oder gar } O(N) \text{ zu kommen}$
- Abschneideradius Cut-Off-Radius:
 - Langsam abnehmendes Potential: z.B. $V \sim \frac{1}{r} \rightarrow F \sim \frac{1}{r^2}$ (z.B. Gravitation und Coulomb)
 - Schnell abnehmendes Potential:
 - z.B. $V \sim \frac{1}{r^6} \rightarrow F \sim \frac{1}{r^7}$ (z.B Lennard-Jones mit $\frac{1}{r^6}$ und $\frac{1}{r^{12}}$)
 - Partikel, die "weit genug weg" sind, müssen nicht betrachtet werden:

$$U(r_{ij}) = \begin{cases} \dots & r_{ij} \le r_{cut} \\ 0 & r_{ij} > r_{cut} \end{cases}$$

- Dadurch wird die Gesamtenergie des Systems "leicht" verändert
- Linked-Cell-Algorithmus:
 - Teile das Gebiet in Zellen mit Seitenlänge ≥ r_{cut}
 - Interaktionen nur mit Partikeln in Nachbarzellen! → O(N)
 - Basis-Algorithmus:

```
Schleife über alle Zellen z
Schleife über alle Nachbarn n
Schleife über alle Partikel i in Zelle z
Schleife über alle Partikel j in Nachbarzelle n
if(r_ij <= r_cut) compute_F(i,j);
Schleife über alle Partikel i in Zelle z
Schleife über alle Partikel j in Zelle z
if(i != j) compute F(i,j);
```

- Dynamik: Partikel sind Zellen nicht fest zugeordnet, sondern wechseln ihre Zugehörigkeit
- Effiziente Implementierung:
 - Partikel in einem statischen Array (in den Zellen Zeiger auf dieses Array)
 - Zelle kennt alle Nachbarn und enthält eine schnelle (!) Liste aller Partikel der Zelle
 - Niemals über alle Zellen iterieren, sondern beim Zuordnen der Partikel zu den Zellen zu Begin jeder Iteration eine schnelle (!) Liste aller Zellen mit Partikeln erstellen → Iteration nur über diese Liste
 - Ausnutzen, dass gilt $F_{ij} = -F_{ji}$
- Beispiele für das Lennard-Jones Potential:
 - Kollision zweier Körper
 - Fallender Tropfen
 - Zwei Gase mit unterschiedlicher Dichte
 - Rayleight-Taylor-Instabilität (zwei unterschiedlich schwere Flüssigkeiten übereinander)
 - Oberflächenwellen in granularen Medien
- Parallelisierung:
 - Gemeinsamer (z.B. OpenMP) vs. verteilter Speicher (z.B. MPI)
 - Gemeinsamer Speicher: relativ simpel und straight-forward → SIMD
 - Verteilter Speicher:
 - Kommunikation (→ Netzwerk-Typ und Topologie!)
 - Naiv: Daten über alle Prozesse replizieren..
 - Ein Prozess arbeitet nur auf einem Teil der Daten
 - Nach jeder Iteration Abgleich unter allen Prozessen
 - Viel Kommunikation
 - Hoher Speicher-Aufwand der die Skalierung erheblich beschränkt
 - Datenpartitionierung:

- Prozess hält nur noch die Daten, auf denen er arbeitet (durch ein kurzreichweitiges Potential ist das auch nur ein Bruchteil aller Partikel)
- Ausgetauscht zwischen den Prozessen wird damit auch immer nur dieser Bruchteil
- Domain Decomposition Gebietszerlegung:
 - Kommunikation an den Gebietsgrenzen ("Ghost-Layer")
 - Evt. ein Problem: inhomogene Verteilung der Partikel!

	Operationen	Kommunikation	Speicher
replizierte Daten	O(N/P)	O(N)	O(N)
Datenpartitionierung	O(N/P)	O(N/P)	O(N/P)
Gebietszerlegung	O(N/P)	2D: $O(\sqrt{N/P})$ 3D: $O((N/P)^{2/3})$	O(N/P)

- Langreichweitige Potentiale:
 - Kein "Cut-Off", auch Wechselwirkungen mit den weit entfernten Partikeln müssen berücksichtigt werden
 - Naiv: O(N²)
 - Gitterbasierende Methoden:
 - Darstellung des (elektrostatischen) Potentials $\Phi(\vec{x})$ als partielle Differentialgleichung [Poisson-Gleichung elliptische partielle Differentialgleichung zweiter Ordnung]: $-\Delta\Phi(\vec{x}) = \frac{1}{\varepsilon_0}\rho(\vec{x})$ mit Ladungsdichte $\rho(\vec{x})$
 - Aus diesem Potential lassen sich Energie und Kräfte leicht bestimmen (Gradientenbildung)
 - Randbedingung:
 - Gebiet "sehr groß" machen und dann Dirichlet-Randbedingungen
 - Periodische Randbedingungen
 - Partielle Differentialgleichung: Diskretisieren und Lösen (→ SiWiR I) [schnelles direktes Verfahren: FFT]
 - Glattheit der Lösung hängt dann stark von der Glattheit von $\rho(\vec{x})$ ab
 - Wenn $\rho(\vec{x})$ nicht glatt ist, sondern z.B. zusammengesetzt aus Delta-Distributionen:
 - Idee: Zerlegung in einen glatten langreichweitigen und einen singulären kurzreichweitigen Anteil $\to V = V_{long} + V_{short}$
 - Kurzreichweitigen Anteil dann lösen mit einer Linked-Cell-Methode
 - Baumtechniken:
 - Quad- bzw. Octree Aufteilung des Gebiets
 - Idee: Menge weit entfernter Partikel als ein einziges "Super-Partikel" betrachten
 - → Barnes-Hut! [O(NlogN)]

Lattice Boltzmann:

- Zellularer Automat:
 - Zellzustand zum Zeitpunkt t+1 hängt vom Zustand der "Nachbarschaft" und von sich selbst zum Zeitpunkt t ab → zeitabhängig [Überführungsfunktion / Update-Regeln]
 - Inhärent parallel
 - Reguläres Grid (Zellraum) mit Zellen
 - Zellzustand: ganzzahlig oder reell
 - Von-Neumann-Nachbarschaft ($\begin{bmatrix} . & o & . \\ o & o & o \\ . & o & . \end{bmatrix}$) und Moore-Nachbarschaft ($\begin{bmatrix} o & o & o \\ o & o & o \\ o & o & o \end{bmatrix}$)

- Zugriffsmuster (→ Stencil) ähnlich wie bei Lösern (Jacobi) von elliptischen PDEs
- Update-Regeln zeit- und ortsunabhängig
- Zum modellieren physikalischer Systeme (Modelle sind einfach zu erstellen)
- Lattice Gas Methode (LGCA):
 - Zellen sind leer oder enthalten Gaspartikel (diese haben diskrete Geschwindigkeiten und Positionen) → alles diskret!
 - Stream-Step: in jedem Zeitschritt wandern Partikel abhängig von ihrer Geschwindigkeit in Nachbarzellen
 - Mehrere Partikel in einer Zelle kollidieren → Kollision muss elementaren physikalischen Regeln folgen: Masse-, Impuls- und Energieerhaltung
 - In der Praxis: sehr feines Zellgitter nötig, sehr rechenintensiv
- Lattice Boltzmann Methode (LBM):
 - Repräsentation der Partikel als reelle Zahl → Dichte
 - Geschwindigkeiten, Positionen und Zeit diskret
 - Stream- und Collide-Step
 - Alternative zu klassischen Flüssigkeitssimulationen (PDE [Navier-Stokes Gleichungen] diskretisieren und lösen [sehr großes System])
 - Vorteile:
 - Einfacher Algorithmus, leicht zu parallelisieren
 - Einfach anzupassen an komplizierte Geometrie, free-surface-flow
 - Nachteile:
 - Einige Erweiterungen (adaptive Grids) fehlen/noch nicht entwickelt/kompliziert
 - Sehr rechenintensiv
 - Model:
 - $f_i(x,t) \ge 0$ reeller Wert, der die durchschnittliche Anzahl an Partikeln angibt, die von Zelle x zum Zeitpunkt t in Richtung c_i wandern (probability distribution function)
 - Dichte: $\varrho(x,t) = \sum_{i=0}^{N} f_i(x,t)$
 - Impuls-Dichte (momentum density): $\varrho(x,t)u(x,t) = \sum_{i=0}^{N} c_i f_i(x,t)$
 - Kollisionsmodell:
 - Partikel-Partikel wäre sehr kompliziert
 - → single time relaxation approximation
 - Equilibrium distribution: $f_i^{eq}(x,t) = f_i^{eq}(\varrho(x,t),u(x,t))$
 - Gleichung zum updaten der Partikel-Verteilungen zeit-, ort- und geschwindigkeitsdiskrete Lattice-Boltzmann Gleichung:

$$f_i(x + c_i \Delta t, t + \Delta t) = f_i(x, t) - \frac{1}{\tau} (f_i(x, t) - f_i^{eq}(x, t))$$

- $\frac{1}{\tau}$ ist Relaxations-Konstante (steuert Einfluss vom Equilibrium)
- Kollisions-Operator: $-\frac{1}{\tau}(f_i(x,t)-f_i^{eq}(x,t))$
- Collide-Step: $\widetilde{f_i}(x,t+\Delta t) = f_i(x,t) \frac{1}{\tau}(f_i(x,t) f_i^{eq}(x,t))$ Stream-Step: $f_i(x+c_i\Delta t,t+\Delta t) = \widetilde{f_i}(x,t+\Delta t)$
- Randbedingung:
 - bounce-back (no-slip): Partikelgeschwindigkeiten, die die Wand treffen, werden einfach umgedreht
 - free-slip
- Modelle: D2Q9, D3Q15 (kein Übergang in der Mitte von Kanten), D3Q27
- Algorithmus:
 - < initial $f^{eq}(x,t)$ berechnen basierend auf gegebenem $\varrho(x,t)$ und u(x,t) > < f(x,t) initial auf $f^{eq}(x,t)$ setzen >

```
for (unsigned int i = 0; i < max_time_steps; ++i) { collide_step(); stream_step(); < \varrho(x,t) \text{ und } u(x,t) \text{ neu berechnen } > \\ < f^{eq}(x,t) \text{ neu berechnen } > }
```

- Performance-Optimierungen (vor allem in Hinblick auf "spatial locality"):
 - Collision-optimized Data-Layout: Daten einer Zelle hintereinander
 - Propagation-optimized Data-Layout: Die gleichen Richtungen aller Zellen blockweise hintereinander
 - Blocking (geometrisch und zeitlich)
 - Grid-Compression: nicht mehr mit zwei Grids arbeiten und diese die ganze Zeit "swappen", sondern dafür nur noch ein Grids verwenden, dass eine Zelle in jeder Richtung größer ist (→ beim "streamen" schieben)
 - Inhärent parallel → Parallelisierung!
- Einordnung:
 - Makroskopische Methoden: Direkte Löser der Navier-Stokes Gleichungen
 - Mesoskopische Methoden: Lattice Boltzmann
 - lacktriangledown Mikroskopische Methoden: Simulation einzelner Fluidpartikel ightarrow Moleküldynamik

Finite Elemente:

- Ein ganz klarer Nachteile von finiten Differenzen: die Differenzengleichungen werden (sehr) kompliziert bei nicht-äquidistanten Stützstellen und nicht-einfachen Gebieten
- Die Methode der finiten Elemente ist in der Hinsicht flexibler
- Herleitung...:
 - ... anhand von: $-\Delta u = f$ in Ω , u = 0 auf $\partial \Omega$
 - Multiplikation mit Testfunktion v (v = 0 auf $\partial\Omega$) und Integration:

$$-\int_{\Omega} \Delta u \cdot v \, dx = \int_{\Omega} f v \, dx$$

• Partielle Integration (Satz von Green):

$$-\int_{\Omega} \Delta u \cdot v \, dx = \int_{\Omega} \nabla u \cdot \nabla v \, dx - \int_{\partial \Omega} v \nabla u \cdot n \, d\sigma = \int_{\Omega} \nabla u \cdot \nabla v \, dx$$
$$(\Rightarrow \int_{\partial \Omega} v \nabla u \cdot n \, d\sigma = 0)$$

• Schwache Formulierung (Lösung muss nur noch einmal und nicht mehr zweimal differenzierbar sein):

$$\int_{\Omega} \nabla u \cdot \nabla v \, dx = \int_{\Omega} f v \, dx$$

- Als Approximation wird eine Lösung von endlich-dimensionalen Problemen gesucht
- Einführung einer endlich-dimensionalen Basis $span\{\phi_1, ..., \phi_n\}$: $u_h = \sum_{i=1}^n u_i \phi_i$
- Daraus folgt: $\sum_{i=1}^n u_i \int_{\Omega} \nabla \phi_i \cdot \nabla \phi_j \ dx = \int_{\Omega} f \phi_j \ dx \quad \forall j \in \{1, 2, ..., n\}$

$$\bullet \quad \operatorname{Mit} A = \begin{bmatrix} \int_{\Omega} \ \nabla \phi_1 \cdot \nabla \phi_1 \ dx & \cdots & \int_{\Omega} \ \nabla \phi_n \cdot \nabla \phi_1 \ dx \\ \vdots & \ddots & \vdots \\ \int_{\Omega} \ \nabla \phi_1 \cdot \nabla \phi_n \ dx & \cdots & \int_{\Omega} \ \nabla \phi_n \cdot \nabla \phi_n \ dx \end{bmatrix}, \\ \tilde{u} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ und } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} \int_{\Omega} \ f \phi_1 \ dx \\ \vdots \\ \int_{\Omega} \ f \phi_n \ dx \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ and } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ folgt: } \\ \tilde{f} = \begin{bmatrix} u_1 \\ \vdots \\ u_n \end{bmatrix} \text{ fol$$

 \Rightarrow $A\tilde{u}=\tilde{f}$ (A: globale Steifigkeitsmatrix [hier: symmetrisch und pos.-def.])

- Basiselemente ϕ_i müssen so gewählt werden, dass A möglichst schwach besetzt ist (\rightarrow Basisfunktionen sollen einfach zu berechnen sein und möglichst kleine Träger haben)
- Eine Möglichkeit: stückweise lineare ϕ_i (in 2D: führt zu "Hütchen"), d.h.
 - Gebiet im 2-Dimensionalen in Dreiecke (Lineares Lagrangesches Finites Element) zerlegen mit n inneren Punkten p_i

- $\quad \quad \phi_j(p_i) = \begin{cases} 1 & \text{, } i=j \\ 0 & \text{. } i\neq j \end{cases} \text{, linear abfallend zu den Nachbarpunkten}$
- Dann gilt: $\int_{\Omega} \nabla \phi_i \cdot \nabla \phi_i \ dx \neq 0 \iff p_i \text{ und } p_i \text{ sind benachbart}$
- Viele andere Basisfunktionen denkbar (stückweise Polynome, ...)
- Andere Gebietsaufteilung möglich (Quadrate, ...)
- Erstellen der globalen Steifigkeitsmatrix:
 - Erstellen der lokalen Steifigkeitsmatrix eines jeden Elements: Auswerten aller relevanten $\int_{\Omega} \nabla \phi_i \cdot \nabla \phi_j \ dx$ auf dem Gebiet dieses Elements (Dreiecke in Kombination mit "Hütchenfunktionen" [2D] → führt zu einer 3x3 Matrix)
 - Lokale Steifigkeitsmatrizen in die globale einsortieren: Aufaddieren der jeweils äquivalenten Einträge
- Möglichkeiten die rechte Seite \tilde{f} zu berechnen:
 - Wenn es möglich ist analytisch!
 - Durch numerische Integration der $\int_{\Omega} f \phi_j dx$, $j \in \{1,2,...,n\}$
 - f(x) auch darstellen als $\sum_{i=1}^n f_i \phi_i \ (\rightarrow Au = Mf \text{ [wenn } f = \lambda u \text{: Inverse Power})$ Iteration: findet das λ , so dass $|\lambda|$ minimal ist mit $Au = \lambda Mu$])
- ightarrow Lösen des Gleichungssystems $A \tilde{u} = \tilde{f} \dots$
- Randbedingungen (homogen = 0):
 - Dirichlet: Wert ist vorgegeben
 - Neumann: Wert der Richtungsableitung der nach außen gerichteten Normalen ist gegeben
- Grundsätzliches Vorgehen der Finiten Elemente Methode:
 - Aufstellen der schwachen Formulierung der Differentialgleichung
 - Passende Finite Elemente wählen und Mesh erstellen (z.B. Triangulierung des Gebiets)
 - Damit verbunden: Wahl der (endlich vielen) Basisfunktionen (z.B. stückweise linear)
 - Lokale Steifigkeitsmatrizen erstellen (→ inhärent parallel)
 - Daraus die globale Steifigkeitsmatrix erzeugen (schwach besetzt [meist: sym. & pos.-def.])
 - Lösen des linearen Gleichungssystems
- Fehlerabschätzung und Konvergenz:
 - Konvergenz ist abhängig von den gewählten Finiten Elementen
 - Für lineare Finite Elemente gilt: $||u u_h|| \to 0$ für $h \to 0$
 - H⁰-Norm: $||f(x)||_0 = \sqrt{\int_{\Omega} [f(x)]^2 dx}$
 - H¹-Norm: $||f(x)||_1 = \sqrt{\int_{\Omega} [f(x)]^2 + [f'(x)]^2 dx}$
 - Für lineare Finite Elemente gilt:
 - $||u u_h||_0 \le ||e_h||_0 \le Ch^2 ||f||_0 \to O(h^2)$ in H⁰-Norm
 - $||u u_h||_1 \le ||e_h||_1 \le Ch||f||_1 \to O(h)$ in H¹-Norm
 - Konvergenz ändert sich bei Singularitäten!
- Methode der Finiten Elemente ist erweiterbar auf:
 - Allgemeinere Randbedingungen
 - Allgemeinere Finite Elemente (2D: Quadrate, ...) [höhere Stetigkeit an den Knotenpunkten → Splines]
 - Allgemeinere Differentialgleichungen (4te Ordnung, ...)
 - Höhere Dimensionen (3D: Tetraeder, Prismen)
 - Gekrümmte Ränder
 - Nicht-lineare partielle Differentialgleichungen
 - Kombination mit schnellen Lösern → Multigrid

Multigrid:

- Grundlegendes Problem der einfachen iterativen Methoden (Jacobi, Gauss-Seidel):
 - Gute Eliminierung der hochfrequenten/oszillierenden Fehlerkomponenten
 - Schlechte Eliminierung der niederfrequenten/glatten Fehlerkomponenten
- Je gröber das Grid, desto oszillierender "erscheinen" glatte Fehlerkomponenten eines feinen Grids [Umgekehrt (aliasing) können oszillierende Fehler auf dem gröberen Grid glatter "erscheinen"]
- Erste Idee: auf einem sehr groben Gitter beginnen und damit eine Startlösung für ein feineres Gitter erzeugen → "nested iteration" [Aber: was wenn bei einem feinen Grid angekommen noch immer glatte Komponenten im Fehler sind?]
- Es gilt für Fehler und Residuum: $e = x \tilde{x} \rightarrow r = b A\tilde{x} = Ax A\tilde{x} = Ae$
- ",two-grid correction scheme":

```
< "Smoothing": \nu_1-malige Relaxation von A^h x^h = b^h auf \Omega^h um \widetilde{x}^h zu erhalten >
< Berechne Residuum: r^h = b^h - A^h \widetilde{\chi}^h >
      < Restriktion: r^h 	o r^{2h} >
      < Löse A^{2h}e^{2h}=r^{2h} auf \Omega^{2h} >
      < Interpolation/Prolongation: e^{2h} 	o e^h >
< Korrektur von \widetilde{x}^h\colon \ \widetilde{x}^h=\widetilde{x}^h+e^h >
< 
u_2-malige Relaxation von A^h x^h = b^h auf \Omega^h mit initialem Startwert \widetilde{x}^h >
```

- Smoothing: Reduzierung hochfrequenter Fehlerkomponenten
- Restriktion:
 - Direkte Übernahme des entsprechenden Werts
 - Mittelung über alle Nachbarn (1D: $\frac{1}{4}$ [1 2 1] 2D: $\frac{1}{16}$ $\begin{bmatrix} 1 & 2 & 1 \\ 2 & 4 & 2 \\ 1 & 2 & 1 \end{bmatrix}$)
- Interpolation/Prolongation: lineare (1D) bzw. bilineare (2D) Interpolation
- Rekursion (V-Cycle): $A^{2h}e^{2h} = r^{2h}$ wieder nach gleichem Schema lösen! [Basisfall: das Problem ist grob genug und kann direkt gelöst werden!]
- Komplexität / Konvergenzordnung von FMG (Full-Multigrid V-Cycle [= nested iteration & V-Cycle]) Mehrgitterverfahren: O(N)